

DATOS DEL SOLICITANTE

Star Médica Morelia

DATOS DEL PACIENTE

AVILA ROJAS, JORGE LUIS

DATOS DE LA MUESTRAID muestra: **0010436**Recepción muestra: **12/02/2021**ID referencia externa: **2102120033**Inicio Análisis: **12/02/2021**Tipo de muestra: **Hisopado exudado nasofaringe**Fin análisis: **12/02/2021****ESTUDIOS REALIZADOS****DETECCIÓN DE SARS-CoV-2 (COVID-19) RT-PCR EN TIEMPO REAL**

La extracción de RNA total de la muestra bajo el fundamento de solución monofásica de fenol e isotiocianato de guanidina que permite la obtención de moléculas de RNA de tamaño variado, con posterior procesamiento y análisis mediante tecnología RT-PCR en tiempo real para la detección cualitativa y la diferenciación de la secuencia genérica del Gen E (B-βCov) presente en diversos B-betacoronavirus (B-βCoV) y del Gen S del coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo grave (SARS-CoV-2), este último causal de COVID-19. La tecnología de RT-PCR en tiempo real, se fundamenta en una reacción de transcriptasa inversa (RT) para convertir el ARN en ADN complementario (ADNc) con una reacción en cadena de la polimerasa (PCR), para la amplificación de secuencias objetivo específicas y sondas objetivo específicas para la detección de ADN amplificado.

RESULTADO**Positivo**

Se ha detectado la secuencia genérica del Gen E (B-βCov) presente en diversos B-betacoronavirus (B-βCoV) y la secuencia específica del Gen S (SARS-CoV2), este último causal de COVID-19.

Le recordamos la importancia de seguir las recomendaciones que proporciona el gobierno federal a través de la secretaria de salud; así como, de su estado y municipio ante la pandemia.

CLAÚSULAS Y GARANTÍAS

El genotipo viral reportado hacen referencia al RNA viral extraído de la muestra enviada en las condiciones de conservación estipulados en la ficha técnica, diferenciación de la secuencia genérica del Gen E (B-βCov) presente en diversos B-betacoronavirus (B-βCoV) y del Gen S del coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo grave (SARS-CoV-2), este último causal de COVID-19. La muestra debe tomarse preferentemente en los primeros 5 días de la fase aguda de la infección. Si la muestra arroja un resultado negativo y el paciente tiene cuadro clínico sugestivo, debe ser analizada para otros virus como el de Influenza H1N1, Influenza B, etc. Los coronavirus humanos son comunes en todo el mundo. Los tipos 229E (alfa coronavirus), NL63 (alfa coronavirus), OC43 (beta coronavirus) y HKU1 (beta coronavirus) comúnmente causan enfermedades respiratorias leves a moderadas, mientras que los coronavirus MERS-CoV (coronavirus del síndrome respiratorio del medio oriente) y SARS-CoV (coronavirus del síndrome respiratorio agudo severo), con frecuencia causan enfermedades graves. En raras ocasiones, los coronavirus que infectan a los animales pueden evolucionar e infectar a humanos; ejemplos recientes de esto incluyen SARS-CoV, MERS-CoV y SARS-CoV-2 (nuevo coronavirus 2019). El material genético sobrante podrá ser utilizado en investigación y fines de control y mejoramiento de la calidad de las pruebas de salud humana, siempre con respeto y anonimizada, tal y como lo estipulo y autorizó usted en la solicitud de la prueba. No es posible saber si el sitio de la toma de la muestra fue el correcto; por lo tanto, es total responsabilidad del personal sanitario que la tomó. Se

Esta información es estrictamente confidencial. Los Resultados corresponden a las muestras recibidas y analizadas en el laboratorio.
Este informe no deberá reproducirse parcialmente sin la aprobación por escrito del laboratorio



constata que la toma de muestra es ajena a Central ADN. Los datos científicos aquí reportados, son el reflejo de la información de frontera; la cual, puede ser modificada con base en correlaciones científicas futuras y consensos internacionales para la gestión de pruebas de detección de SARS-CoV-2, causal de COVID-19. El laboratorio no se hará responsable del reanálisis de los datos ni de la clasificación/significancia clínica en este informe; debido a que el conocimiento evoluciona. Esta información es estrictamente confidencial. Este Informe no deberá reproducirse parcialmente sin la aprobación por escrito de LABORATORIO DE DIAGNÓSTICO MOLECULAR. CENTRAL ADN es un laboratorio liberado por el InDRE para la detección de SARS-CoV2 (COVID-19). Si esta en una embajada o consulado y quiere corroborar nuestra liberación, puede usted acudir a la dirección https://www.gob.mx/cms/uploads/attachment/file/602186/LISTADO_DE_LABORATORIOS_QUE_REALIZAN_EL_DIAGNOSTICO_DE_COVID-19_17122020.pdf.

Si usted tiene dudas o comentarios, por favor contacte con nosotros al tel: 01-4433201140 ext. 111 o visítanos a través de nuestra página oficial <http://www.adnmexico.net/>



Dra. Mercedes P. De León B.
Responsable Sanitario.
Cédula Profesional: 6230369
12/02/2021



FECHA DE RECEPCION DE MUESTRA miércoles 3 de febrero de 2021 Token: 1B34B4600A

Nombre: **MARTINEZ HINOJOSA, VICENTE** Folio: **2102030201**

Tipo de Paciente: PUBLICO GRAL Expediente: CDM-319629

Servicio: CEDIMI Sexo: M Edad: [REDACTED]

Doctor: A QUIEN CORRESPONDA Fecha de Nacimiento: [REDACTED]

ESTUDIO	BIOLOGIA MOLECULAR	S.I.	VALORES DE REFERENCIA
DETECCION DEL CORONAVIRUS SARS-COV-2	RESULTADO		
	POSITIVO		

Muestra: Exudado Nasofaríngeo/Orofaringeo
Método: RT-PCR EN TIEMPO REAL

La detección cualitativa del virus SARS-CoV-2 se realiza a través de sondas que detectan los segmentos de dos genes (N1 y N2) que codifican para la proteína de la nucleocápside del virus SARS-CoV-2.

Muestras de pacientes con bajas cargas virales pueden no ser detectadas. En algunos casos debido a la sensibilidad del método se pueden presentar resultados NO CONCLUYENTES debido a la detección de solo una secuencia (N1 o N2) o no se detecta el gen RP, en estos casos se considerará reanalizar la muestra lo que puede verse reflejado en la demora de los resultados.

Un resultado NEGATIVO no descarta la posibilidad de ser portador del virus SARS-CoV-2 y se sugiere dar seguimiento por parte de su médico a los datos clínicos y correlacionar con los estudios complementarios.

CEDIMI Laboratorios cuenta con reconocimiento por parte del InDRE.

Resultados revisados y validados por: **MIRIAM LIZETH RENTERIA CARRANZA CED: 11952578**



QFB Bertha Ballesteros Silva
Responsable sanitario Ced. Prof. 498371